SEQUENCE LISTING

	<210>	1	
5	<211>	23	
	<212>	DNA	
10	<213>	AB18-EcoR I	
15	<400> gctgct	1 cagtg tccgatgtaa ttc	23
	<210>	2	
20	<211>	19	
	<212>	DNA	
	<213>	AB18-EcoR II	
25			
	<400> gatcac	2 aggc tacattaag	19
30	<210>	3	
	<211>	18	
35	<212>	DNA	
	<213>	AB18-ApaL I	
40	<400> gctgct	3 agtg tccgatgt	18
45	<210>	4	
	<211>	18	
50	<212>	DNA	
	<213>	AB18-ApaL I	
55	<400>	4	

5	<210>	5	
J	<211>	18	
	<212>	DNA	
10	<213>	AB18-BamH I	
15	<400>	5 atcg gacactag	
	gaccac	accy gacaccag	
	<210>	6	
20	<211>	18	
	<212>	DNA	
25	<213>	AB18-Bgl II	
	<400> gatcac	6 atcg gacactag	
30			
		7	
35	<211>	18	
	<212>	DNA	
40	<213>	Ab18-EcoR I	
40			
	<400> aattac	7 atcg gacactag	
45	.010	0	
	<210>		
50	<211>	18	
50	<212>	DNA	
	<213>	AB18-Hind III	

tgcaacatcg gacactag

	<400> 8 agctacatcg gacactag	18
5	<210> 9	
	<211> 18	
10	<212> DNA	
10	<213> AB18-Nco I	
15	<400> 9 catgacatcg gacactag	18
20	<210> 10	
20	<211> 18	
	<212> DNA	
25	<213> CD18-BsaJ	
30	<400> 10 gatctcctag agtcgtga	18
	<210> 11	
35	<211> 16	
	<212> DNA	
40	<213> CD18-BsaJ I	
45	<400> 11 cttgtcacga ctctag	16
	<210> 12	
50	<211> 16	
50	<212> DNA	
	<213> CD18-Bsaj	

	5	<400> 12 cctgtcacga ctctag	16
		<210> 13	
	10	<211> 16	
	10	<212> DNA	
		<213> CD18-BsaJ	
	15		
		<400> 13 cgtgtcacga ctctag	16
	20	<210> 14	
Total Control of the		<211> 16	
Applications of the control of the c	25	<212> DNA	
		<213> CD18-Bsaj	
	30	<400> 14 catgtcacga ctctag	16
Total	35	<210> 15	
Mary Control		<211> 16	
	40	<212> DNA	
	40	<213> CD18-Basj	
	45	<400> 15 ctcgtcacga ctctag	16
	50	<210> 16	
	50	<211> 16	
		<212> DNA	

<213> CD18-Basj

5	<400> 16 cccgtcacga ctctag	16
10	<210> 17	
	<211> 16 <212> DNA	
15	<212> DNA <213> CD18-Bsaj	
20	<400> 17 cgcgtcacga ctctag	16
	<210> 18	
25	<211> 16	
	<212> DNA	
30	<213> CD18-BsaJ	
35	<400> 18 cacgtcacga ctctag	16
	<210> 19	
40	<211> 16	
40	<212> DNA	
	<213> CD18-BasJ	
45		
	<400> 19 ctggtcacga ctctag	16
50	<210> 20	
	<211> 16	

	<212> DNA	
	<213> CD18-BasJ	
5		
	<400> 20 ccggtcacga ctctag	16
10	<210> 21	
	<211> 16	
15	<212> DNA	
	<213> CD18-BasJ	
20	<400> 21 cgggtcacga ctctag	16
25	<210> 22	
	<211> 16	
20	<212> DNA	
30	<213> CD18-BasJ	
35	<400> 22 caggtcacga ctctag	16
	<210> 23	
40	<211> 16	
	<212> DNA	
45	<213> CD18-BsaJ	
50	<400> 23 ctagtcacga ctctag	16
	<210> 24	

	<211> 16	
	<212> DNA	
5	<213> CD18-BasJ	
10	<400> 24 ccagtcacga ctctag	16
	<210> 25	
15	<211> 16	
	<212> DNA	
20	<213> CD18-BsaJ	
25	<400> 25 cgagtcacga ctctag	16
	<210> 26	
30	<211> 16	
30	<212> DNA	
	<213> CD18-BsaJ	
35		
	<400> 26 caagtcacga ctctag	16
40		10
	<210> 27 <211> 18	
45	<212> DNA	
	<213> AB18-ApaL I	
50	•	
50	<400> 27 gctgctagtg tccgatgt	1.0

	<210> 28	
	<211> 18	
5	<212> DNA	
	<213> AB18-ApaL II	
10	<400> 28 gatcacaggc tacaacgt	18
15	<210> 29	
	<211> 18	
20	<212> DNA	
20	<213> AB18-BamH I	
25	<400> 29 gctgctagtg tccgatgt	18
30	<210> 30 <211> 18	
	<212> DNA	
35	<213> AB18-BamH I	
40	<400> 30 gatcacaggc tacactag	18
	<210> 31	
45	<211> 18	
	<212> DNA	
50	<213> AB18-Bgl II	
55	<400> 31 gctgctagtg tccgatgt	18

	<210> 32	
5	<211> 18	
3	<212> DNA	
	<213> AB18-Bgl II	
10		
	<400> 32 gatcacaggc tacactag	18
15	<210> 33	
	<211> 18	
20	<212> DNA	
	<213> AB18EcoR I	
25	<400> 33	
	getgetagtg teegatgt	18
30	<210> 34	
	<211> 18	
35	<212> DNA	
	<213> AB18-EcoR I	
40	<400> 34 gatcacaggc tacattaa	18
4.5	<210> 35	
45	<211> 18	
	<212> DNA	
50	<213> AB-18-Hind III	
55	<400> 35 gctgctagtg tccgatgt	18

576471v1

	<210>	36	
5	<211>	18	
	<212>	DNA	
10	<213>	AB-18-HIND III	
15	<400> gatca	36 caggc tacatcga	18
	<210>	37	
20	<211>	18	
	<212>	DNA	
	<213>	AB18-Nco I	
25			
	<400> gctgct	37 Eagtg teegatgt	18
30	<210>	38	
	<211>	18	
35	<212>	DNA	
	<213>	AB18-Nco I	
40	<400> gatcac	38 aggc tacagtac	18
45	<210>	39	
	<211>	18	
50	<212>	DNA	
	<213>	CD18-BsaJ I-tt	
55	<400>	39	

-59

	<400> 43 gatctcctag agtcgtga	18
5	<210> 44	
	<211> 16	
10	<212> DNA	
10	<213> CD18-BsaJ I-tg	
15	<400> 44 gatctcagca ctgtgc	16
20	<210> 45	
20	<211> 18	
	<212> DNA	
25	<213> CD18-BsaJ I-ta	
30	<400> 45 gateteetag agtegtga	18
	<210> 46	
35	<211> 16	
	<212> DNA	
40	<213> CD18-BsaJ I-ta	
45	<400> 46 gatctcagca ctgtac	16
	<210> 47	
7 0	<211> 18	
50	<212> DNA	
	<213> CD18-BsaJ I-ct	

	5	gatctcctag agtcgtga	18
		<210> 48	
	10	<211> 16	
	10	<212> DNA	
		<213> CD18-BsaJ I-ct	
	15		
		<400> 48 gatctcagca ctgctc	16
200	20	<210> 49	
		<211> 18	
	25	<212> DNA	
		<213> CD18-BsaJ I-cc	
	30	<400> 49 gatctcctag agtcgtga	18
	35	<210> 50	
		<211> 16	
	40	<212> DNA	
	40	<213> CD18-BsaJ I-cj	
	45	<400> 50 gatctcagca ctgccc	16
	50	<210> 51	
	50	<211> 18	
		<212> DNA	

<213> CD18-BsaJ I-cg

	5	<400> gatctco	51 ctag agtcgtga	18
1 /	10	<210>	52	
J	10	<211>	16	
		<212>	DNA	
1	15	<213>	CD18-BsaJ I-cg	
2	20	<400> gatctca	52 agca ctgcgc	16
		<210>	53	
2	25	<211>	18	
		<212>	DNA	
3	30	<213>	CD18-BsaJ I-ca	
ŝ	35	<400> gatctc	53 ctag agtcgtga	18
		<210>	54	
4	40	<211>	16	
	40	<212>	DNA	
		<213>	CD18-BsaJ I-ca	
4	45			
		<400> gatctc	54 agca ctgcac	16
;	50	<210>	55	
		<211>	18	

		<212>	DNA	
		<213>	CD18-BsaJ I-gt	
	5			
			55 ctag agtcgtga	18
1	.0	<210>	56	
		<211>	16	
1	15	<212>	DNA	
		<213>	CD18-BsaJ I-gt	
2	20	<400> gatctc	56 agca ctggtc	16
2	25	<210>	57	
		<211>	18	
,	30	<212>	DNA	
•	30	<213>	CD18-BsaJ I-gc	
	35	<400> gatctc	57 ectag agtegtga	18
	40	<210>	58	
,	40	<211>	16	
		<212>	DNA	
	45	<213>	CD18-BsaJ I-gc	
	50	<400> gatcto	58 Cagca ctggcc	16
		<210>	59	

	<211>	18		
	<212>	DNA		
5	<213>	CD18-BsaJ I-gg		
10	<400> gatcto	59 ctag agtegtga		18
	<210>	60		
15	<211>	16		
	<212>	DNA		
20		CD18-BsaJ I-gg		
25		60 cagca ctgggc		16
	<210>	61		
30	<211>	18		
30	<212>	DNA		
	<213>	CD18-BsaJ I-ga		
35	i			
	<400> gatct	61 cctag agtcgtga		18
4() <210>	62		
	<211>	16		
4:	<212>	· DNA		
	<213>	CD18-BsaJ I-ga		
50)			
	<400>	> 62 ccaqca ctggac		16

	<210> 63	
	<211> 18	
5	<212> DNA	
	<213> CD18-BsaJ I-at	
10		
10	<400> 63	18
	gatctcctag agtcgtga	
15	<210> 64	
	<211> 16	
20	<212> DNA	
20	<213> CD18-BsaJ I-at	
25	<400> 64	16
	gateteagea etgate	
30	<210> 65	
30	<211> 18	
	<212> DNA	
35	<213> CD18-BsaJ I-ac	
40	<400> 65 gateteetag agtegtga	18
40	gateteedag ageogean	
	<210> 66	
45	<211> 16	
	<212> DNA	
50	<213> CD18-BsaJ I-ac	
50		
	<400> 66 gatctcagca ctgacc	16
55	3~~~~~3	

	<210> 67		
5	<211> 18		
	<212> DNA		
	<213> CD18-BsaJ I-ag		
10			
	<400> 67 gatctcctag agtcgtga		18
15	<210> 68		
	<211> 16		
20	<212> DNA		
	<213> CD18-BsaJ I-ag		
25	<400> 68 gatctcagca ctgagc		16
30	<210> 69		
	<211> 18		
35	<212> DNA		
	<213> CD18-BsaJ I-aa		
40	<400> 69 gatctcctag agtcgtga		18
45	<210> 70		
43	<211> 16		
	<212> DNA		
50	<213> CD18-BsaJ I-aa		
55	<400> 70 gatctcagca ctgaac		16
		67	

	<210> 71	
5	<211> 18	
	<212> DNA	
10	<213> NED-AB18	
15	<400> 71 gctgctagtg tccgatgt	18
	<210> 72	
20	<211> 21	
20	<212> DNA	
	<213> CD18-BsaJ CAA	
25		
	<400> 72 gatctcctag agtcgtgaca a	21
30	<210> 73	
	<211> 21	
35	<212> DNA	
	<213> CD18-BsaJ CAG	
40	<400> 73 gatctcctag agtcgtgaca g	21
45	<210> 74	
	<211> 21	
50	<212> DNA	
50	<213> CD18-BsaJ CAC	
55	<400> 74	

-68

21

55

	<pre><400> 78 gatctcctag agtcgtgacg c</pre>	21
5	<210> 79	
	<211> 21	
4.0	<212> DNA	
10	<213> CD18-BsaJ CGT	
15	<400> 79 gatctcctag agtcgtgacg t	21
20	<210> 80	
	<211> 21	
	<212> DNA	
25	<213> CD18-BsaJ CCA	
30	<400> 80 gatctcctag agtcgtgacc a	21
	<210> 81	
35	<211> 21	
	<212> DNA	
40	<213> CD18-BsaJ CCG	
	<400> 81 gatctcctag agtcgtgacc g	21
45		
	<210> 82	
50	<211> 21	
<i>5</i>	<212> DNA	
	<213> CD18-BsaJ CCC	

	5	gatctcctag agtcgtgacc c	21
		<210> 83	
	10	<211> 21	
	10	<212> DNA	
		<213> CD18-BsaJ CCT	
	15		
		<400> 83 gatctcctag agtcgtgacc t	21
Annua	20	<210> 84	
		<211> 21	
17 17 17	25	<212> DNA	
one of the state o		<213> CD18-BsaJ CTA	
the first that the rest fault to the first that the fault to the fault	30	<400> 84 gatctcctag agtcgtgact a	21
1	35	<210> 85	
THE COLUMN TO TH		<211> 21	
	40	<212> DNA	
	40	<213> CD18-BsaJ CTG	
	45	<400> 85 gatctcctag agtcgtgact g	21
	50	<210> 86	
	50	<211> 21	
		<212> DNA	

:	5	<pre><400> 86 gatctcctag agtcgtgact c</pre>	21
10	0	<210> 87	
	U	<211> 21	
		<212> DNA	
1	5	<213> CD18-BsaJ-CTT	
2	0	<400> 87 gatctcctag agtcgtgact t	21
		<210> 88	
2	25	<211> 37	
		<212> DNA	
3	30	<213> M13R	
3	35	<400> 88 ggaaacagct atgaccatgg ctgctagtgt ccgatgt	37
		<210> 89	
4	40	<211> 36	
+∪	10	<212> DNA	
		<213> M13F	
•	45		
		<400> 89 tgtaaaacga cggccagtga tctcctagag tcgtga	36
	50		